

A MALDI TOF/TOF based approach for the identification of D-amino acids in biologically active peptides and proteins

Johannes Köhbach, Christian W. Gruber, Christian Becker, David P. Kreil and Alexander Jilek

Supplemental material

Fig. S-1: R matrices calculated for designated model peptides with or without CID. Upper values represent $R_{i,j}$ (i,j were chosen to give an $R_{\text{chiral}} \geq 1$), lower values represent the standard deviation.

Fig. S-1-1

Peptide: **IIGPVLCa** no CID applied

i,j	z6	z5	y6	y5	y4	y2	b7	b6	b5	b2	a7	a6	a5
z5	1.37 0.07												
y6	1.12 0.03	1.53 0.10											
y5	1.18 0.04	1.62 0.14	1.05 0.05										
y4	1.57 0.05	2.15 0.17	1.40 0.05	1.33 0.01									
y2	1.10 0.04	1.51 0.09	1.02 0.05	1.07 0.04	1.43 0.04								
b7	1.35 0.09	1.85 0.11	1.21 0.11	1.15 0.09	1.16 0.09	1.23 0.10							
b6	1.26 0.04	1.73 0.13	1.12 0.05	1.07 0.02	1.25 0.01	1.15 0.03	1.08 0.07						
b5	1.14 0.05	1.56 0.13	1.02 0.04	1.04 0.02	1.38 0.02	1.04 0.03	1.19 0.09	1.11 0.03					
b2	1.13 0.03	1.21 0.08	1.26 0.05	1.33 0.02	1.77 0.03	1.24 0.03	1.53 0.12	1.42 0.02	1.28 0.03				
a7	1.24 0.04	1.69 0.12	1.11 0.06	1.05 0.06	1.27 0.07	1.13 0.07	1.09 0.09	1.02 0.06	1.09 0.07	1.40 0.07			
a6	1.21 0.03	1.13 0.06	1.36 0.02	1.43 0.05	1.91 0.06	1.33 0.05	1.64 0.14	1.53 0.05	1.38 0.04	1.08 0.03	1.50 0.08		
a5	1.17 0.02	1.17 0.06	1.31 0.03	1.38 0.07	1.83 0.09	1.28 0.07	1.58 0.13	1.47 0.07	1.33 0.08	1.03 0.04	1.44 0.04	1.04 0.03	
a2	1.66 0.14	1.22 0.12	1.86 0.17	1.96 0.18	2.60 0.24	1.82 0.14	2.25 0.33	2.09 0.19	1.89 0.20	1.47 0.12	2.06 0.20	1.37 0.12	1.42 0.10

Fig. S-1-2

Peptide: **GIGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	b7	b6	b5	b2	a7	a6	a5
z5	1.02 0.30												
y6	1.18 0.30	1.21 0.07											
y5	1.03 0.31	1.05 0.05	1.15 0.07										
y4	1.09 0.31	1.10 0.04	1.09 0.05	1.05 0.04									
y2	1.17 0.31	1.14 0.03	1.37 0.04	1.20 0.06	1.26 0.02								
b7	1.22 0.34	1.19 0.09	1.43 0.06	1.25 0.08	1.31 0.07	1.04 0.06							
b6	1.13 0.34	1.10 0.06	1.33 0.07	1.16 0.02	1.22 0.03	1.03 0.05	1.08 0.06						
b5	1.01 0.30	1.03 0.03	1.18 0.06	1.02 0.02	1.08 0.02	1.17 0.04	1.22 0.08	1.13 0.02					
b2	1.11 0.38	1.08 0.11	1.30 0.15	1.13 0.18	1.19 0.14	1.06 0.11	1.11 0.12	1.03 0.14	1.10 0.14				
a7	1.02 0.28	1.04 0.03	1.16 0.04	1.01 0.04	1.06 0.02	1.19 0.03	1.24 0.07	1.15 0.03	1.02 0.02	1.12 0.14			
a6	1.44 0.40	1.41 0.07	1.70 0.05	1.48 0.06	1.55 0.03	1.23 0.04	1.18 0.05	1.27 0.04	1.44 0.05	1.31 0.17	1.46 0.03		
a5	1.82 0.50	1.77 0.03	2.14 0.11	1.86 0.10	1.96 0.05	1.56 0.04	1.49 0.11	1.61 0.07	1.82 0.07	1.65 0.15	1.85 0.06	1.26 0.06	
a2	1.16 0.55	1.22 0.31	1.01 0.25	1.16 0.28	1.10 0.29	1.39 0.35	1.44 0.42	1.34 0.34	1.19 0.29	1.32 0.43	1.17 0.43	1.71 0.28	2.16 0.42

Fig. S-1-3

Peptide: **KIGPVLCa** no CID applied

	z5	Y7	Y6	y5	y4	y2	IGP VL	IGP V	GPV	b7	b6	b5	a7	a6	a5
Y7	3.36 1.56														
Y6	1.75 0.07	5.83 2.48													
y5	1.01 0.02	3.38 1.50	1.72 0.04												
y4	1.12 0.01	3.74 1.72	1.57 0.05	1.10 0.02											
y2	1.18 0.02	2.86 1.37	2.06 0.10	1.20 0.03	1.32 0.02										
IGPV	1.02 0.05	3.44 1.43	1.71 0.08	1.01 0.06	1.09 0.05	1.20 0.07									
L															
IGPV	1.20 0.03	2.83 1.37	2.09 0.14	1.21 0.06	1.33 0.05	1.01 0.03	1.22 0.10								
GPV	1.35 0.03	2.51 1.24	2.36 0.15	1.37 0.06	1.51 0.05	1.14 0.02	1.38 0.10	1.13 0.02							
b7	1.08 0.09	3.05 1.25	1.88 0.12	1.09 0.07	1.20 0.08	1.10 0.09	1.10 0.12	1.11 0.12	1.26 0.13						
b6	1.09 0.06	3.05 1.45	1.91 0.08	1.11 0.05	1.22 0.06	1.08 0.07	1.12 0.08	1.09 0.09	1.23 0.10	1.02 0.07					
b5	1.06 0.02	3.17 1.44	1.85 0.04	1.07 0.02	1.18 0.01	1.12 0.03	1.08 0.05	1.13 0.05	1.28 0.05	1.02 0.06	1.04 0.04				
a7	1.01 0.05	3.38 1.65	1.74 0.14	1.01 0.06	1.11 0.06	1.19 0.07	1.01 0.10	1.21 0.06	1.36 0.08	1.09 0.09	1.10 0.10	1.06 0.06			
a6	1.36 0.02	2.47 1.15	2.39 0.08	1.38 0.04	1.52 0.02	1.16 0.02	1.39 0.06	1.14 0.04	1.01 0.03	1.27 0.03	1.24 0.10	1.29 0.07	1.38 0.03		
a5	1.45 0.03	2.32 1.10	2.54 0.12	1.47 0.05	1.62 0.04	1.23 0.03	1.48 0.10	1.21 0.03	1.08 0.03	1.35 0.11	1.32 0.09	1.37 0.04	1.46 0.04	1.06 0.05	
a4	1.09 0.01	3.08 1.45	1.92 0.09	1.11 0.03	1.22 0.03	1.08 0.01	1.12 0.06	1.09 0.02	1.23 0.02	1.02 0.09	1.00 0.07	1.04 0.03	1.10 0.03	1.25 0.06	1.32 0.02

Fig. S-1-4

Peptide: **EIGPVLCa** no CID applied

	z5	y6	Y6	y5	y4	y2	b7	b6	b5	a7	a6
y6	1.01 0.02										
Y6	1.25 0.08	1.25 0.10									
y5	1.56 0.06	1.55 0.08	1.94 0.07								
y4	1.33 0.06	1.32 0.07	1.66 0.15	1.18 0.10							
y2	1.21 0.13	1.20 0.13	1.51 0.22	1.31 0.20	1.11 0.07						
b7	1.61 0.76	1.62 0.75	1.28 0.57	2.49 1.16	2.18 1.05	2.04 1.03					
b6	1.34 0.06	1.33 0.07	1.66 0.06	1.17 0.03	1.01 0.09	1.12 0.18	2.12 0.96				
b5	1.00 0.04	1.01 0.05	1.24 0.10	1.57 0.12	1.33 0.01	1.21 0.09	1.64 0.79	1.34 0.11			
a7	1.10 0.08	1.11 0.10	1.14 0.12	1.72 0.17	1.46 0.06	1.32 0.09	1.51 0.79	1.48 0.17	1.10 0.04		
a6	1.66 0.05	1.67 0.03	1.33 0.09	2.59 0.15	2.20 0.12	2.00 0.22	1.44 0.94	2.21 0.13	1.65 0.10	1.51 0.15	
a5	2.24 0.13	2.25 0.14	1.80 0.16	3.50 0.30	2.97 0.09	2.69 0.21	1.99 1.34	2.99 0.26	2.23 0.07	2.03 0.13	1.35 0.07

Fig. S-1-5

Peptide: **FIGPVLCa** no CID applied

	z5	y6	y5	y4	IGPV L	IGPV	GPV	b7	b6	b5	a7	a6	a5Y4
y6	1.27 0.10												
y5	1.28 0.12	1.00 0.04											
y4	1.53 0.13	1.20 0.04	1.20 0.02										
IGPV	1.07 0.06	1.36 0.03	1.37 0.07	1.64 0.07									
IGPV	1.08 0.07	1.37 0.05	1.38 0.05	1.65 0.06	1.01 0.03								
GPV	1.11 0.06	1.15 0.04	1.15 0.05	1.38 0.05	1.19 0.02	1.19 0.01							
b7	1.35 0.17	1.06 0.06	1.06 0.04	1.13 0.06	1.45 0.11	1.46 0.10	1.22 0.09						
b6	1.24 0.12	1.03 0.04	1.03 0.01	1.23 0.03	1.33 0.06	1.34 0.04	1.12 0.04	1.09 0.04					
b5	1.24 0.12	1.03 0.04	1.03 0.01	1.24 0.01	1.33 0.06	1.33 0.05	1.12 0.04	1.09 0.05	1.00 0.01				
a7	1.21 0.09	1.05 0.02	1.06 0.04	1.27 0.04	1.29 0.02	1.30 0.03	1.09 0.02	1.12 0.07	1.03 0.03	1.03 0.03			
a6	1.18 0.08	1.50 0.04	1.50 0.06	1.80 0.05	1.10 0.02	1.09 0.03	1.31 0.03	1.59 0.10	1.46 0.05	1.46 0.05	1.42 0.02		
a5Y4	1.25 0.08	1.59 0.05	1.59 0.05	1.91 0.05	1.16 0.03	1.16 0.01	1.38 0.01	1.68 0.10	1.55 0.04	1.54 0.05	1.51 0.03	1.06 0.02	
a3	1.30 0.10	1.02 0.02	1.02 0.02	1.18 0.02	1.39 0.04	1.40 0.03	1.17 0.03	1.04 0.05	1.05 0.02	1.05 0.02	1.08 0.02	1.53 0.03	1.62 0.03

Fig. S-1-6

Peptide: **SIGPVLCa** no CID applied

	z5	y5	y4	y2	IGP V	b7-18	b7	b6-18	b6	b5-18	b5	a7	a6
y5	1.23 0.06												
y4	1.06 0.05	1.16 0.04											
y2	1.05 0.05	1.17 0.08	1.01 0.04										
IGPV	1.11 0.07	1.36 0.14	1.17 0.09	1.17 0.08									
b7-18	1.09 0.09	1.12 0.09	1.03 0.05	1.04 0.07	1.21 0.11								
b7	1.33 0.16	1.64 0.14	1.41 0.13	1.41 0.19	1.20 0.16	1.46 0.12							
b6-18	1.05 0.07	1.29 0.08	1.11 0.03	1.10 0.03	1.06 0.08	1.14 0.05	1.27 0.13						
b6	1.13 0.05	1.38 0.03	1.19 0.03	1.19 0.06	1.02 0.09	1.23 0.09	1.18 0.10	1.07 0.05					
b5-18	1.00 0.07	1.22 0.13	1.06 0.08	1.05 0.04	1.11 0.09	1.09 0.12	1.33 0.25	1.05 0.08	1.13 0.10				
b5	1.08 0.04	1.32 0.05	1.14 0.02	1.13 0.04	1.03 0.07	1.17 0.06	1.24 0.13	1.03 0.04	1.05 0.03	1.08 0.08			
a7	1.08 0.03	1.32 0.10	1.14 0.04	1.13 0.03	1.03 0.05	1.18 0.08	1.24 0.15	1.03 0.05	1.05 0.06	1.08 0.06	1.00 0.03		
a6	1.86 0.05	2.28 0.13	1.97 0.05	1.96 0.08	1.68 0.09	2.03 0.12	1.39 0.13	1.78 0.08	1.65 0.07	1.86 0.15	1.73 0.04	1.73 0.04	
a5	2.71 0.12	3.32 0.30	2.87 0.14	2.85 0.10	2.45 0.09	2.96 0.19	2.03 0.25	2.59 0.11	2.40 0.18	2.71 0.14	2.52 0.11	2.51 0.04	1.46 0.05

Fig. S-1-7

Peptide: **AIGPVLCa** no CID applied

	z5	y6	y5	y4	y2	IGP V	GPV	b7	b6	b5	b4	a7	a6
y6	1.43 0.08												
y5	1.71 0.11	1.20 0.06											
y4	1.85 0.18	1.29 0.06	1.08 0.07										
y2	1.32 0.12	1.09 0.09	1.30 0.10	1.40 0.06									
IGPV	1.05 0.04	1.50 0.07	1.80 0.12	1.95 0.17	1.39 0.15								
GPV	1.08 0.03	1.32 0.06	1.58 0.11	1.71 0.15	1.22 0.10	1.14 0.05							
b7	1.04 0.14	1.38 0.17	1.65 0.22	1.79 0.30	1.28 0.27	1.09 0.11	1.04 0.16						
b6	1.73 0.11	1.21 0.08	1.01 0.04	1.07 0.08	1.32 0.15	1.82 0.10	1.60 0.12	1.67 0.18					
b5	1.55 0.14	1.09 0.06	1.10 0.05	1.19 0.03	1.18 0.03	1.64 0.14	1.44 0.11	1.50 0.27	1.12 0.09				
b4	1.02 0.06	1.40 0.07	1.68 0.12	1.81 0.08	1.30 0.06	1.07 0.08	1.06 0.05	1.02 0.18	1.70 0.16	1.52 0.07			
a7	1.35 0.11	1.07 0.07	1.27 0.10	1.38 0.15	1.03 0.16	1.42 0.06	1.25 0.11	1.30 0.07	1.29 0.07	1.16 0.14	1.33 0.16		
a6	1.18 0.06	1.69 0.04	2.02 0.10	2.18 0.11	1.56 0.11	1.12 0.05	1.27 0.06	1.23 0.17	2.05 0.15	1.83 0.10	1.20 0.05	1.59 0.14	
a5	1.52 0.03	2.18 0.11	2.60 0.15	2.82 0.23	2.01 0.17	1.45 0.05	1.64 0.06	1.58 0.21	2.64 0.15	2.36 0.19	1.55 0.09	2.05 0.15	1.29 0.04

Fig. S-1-8

Peptide: **IKGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	Y2	b7	b6	b5	b2c	a7	a6	a5	a4
z5	1.10 0.04													
y6	1.03 0.04	1.07 0.02												
y5	1.04 0.07	1.06 0.04	1.01 0.03											
y4	1.09 0.06	1.20 0.04	1.13 0.03	1.13 0.02										
Y2	1.10 0.04	1.00 0.03	1.07 0.02	1.06 0.05	1.20 0.05									
b7	1.05 0.05	1.05 0.04	1.01 0.04	1.01 0.06	1.14 0.05	1.05 0.05								
b6	1.05 0.07	1.05 0.05	1.02 0.03	1.01 0.01	1.15 0.02	1.05 0.05	1.00 0.06							
b5	1.01 0.06	1.09 0.03	1.02 0.02	1.02 0.02	1.11 0.01	1.09 0.04	1.03 0.06	1.04 0.02						
b2	1.16 0.07	1.05 0.07	1.13 0.05	1.12 0.06	1.27 0.08	1.05 0.05	1.11 0.10	1.11 0.06	1.15 0.06					
a7	1.01 0.05	1.09 0.04	1.02 0.04	1.03 0.06	1.10 0.05	1.09 0.03	1.04 0.06	1.04 0.07	1.00 0.05	1.15 0.07				
a6	1.08 0.02	1.02 0.04	1.05 0.03	1.04 0.06	1.18 0.06	1.02 0.02	1.03 0.05	1.03 0.06	1.06 0.05	1.08 0.06	1.07 0.04			
a5	1.12 0.03	1.02 0.05	1.09 0.03	1.08 0.06	1.22 0.06	1.02 0.03	1.07 0.07	1.07 0.06	1.10 0.05	1.04 0.04	1.11 0.05	1.04 0.03		
a4	1.15 0.05	1.04 0.03	1.11 0.02	1.11 0.05	1.25 0.04	1.04 0.01	1.10 0.05	1.09 0.05	1.13 0.03	1.01 0.05	1.14 0.03	1.06 0.03	1.02 0.03	
a2	1.09 0.07	1.02 0.06	1.05 0.07	1.05 0.10	1.19 0.10	1.02 0.05	1.04 0.09	1.04 0.10	1.07 0.09	1.07 0.10	1.08 0.09	1.01 0.06	1.03 0.05	1.06 0.05

Fig. S-1-9

Peptide: **IEGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	b7	b6	b5	b2m	a7	a6	a5
z5	1.21 0.04												
y6	1.18 0.04	1.43 0.04											
y5	1.21 0.13	1.46 0.13	1.02 0.08										
y4	1.42 0.07	1.72 0.06	1.20 0.02	1.18 0.07									
y2	1.50 0.04	1.81 0.02	1.27 0.02	1.24 0.11	1.05 0.03								
b7	1.30 0.07	1.57 0.10	1.10 0.06	1.08 0.12	1.09 0.06	1.15 0.06							
b6	1.29 0.14	1.56 0.14	1.09 0.08	1.07 0.01	1.10 0.07	1.16 0.11	1.01 0.11						
b5	1.21 0.11	1.46 0.11	1.02 0.06	1.00 0.01	1.18 0.05	1.24 0.09	1.08 0.10	1.07 0.02					
b2	1.10 0.06	1.10 0.06	1.30 0.09	1.33 0.19	1.56 0.13	1.64 0.10	1.43 0.15	1.42 0.20	1.33 0.17				
a7	1.16 0.07	1.40 0.08	1.02 0.05	1.04 0.10	1.23 0.06	1.29 0.06	1.12 0.05	1.12 0.11	1.04 0.09	1.27 0.14			
a6	1.20 0.03	1.00 0.02	1.43 0.04	1.46 0.12	1.71 0.05	1.80 0.02	1.57 0.08	1.56 0.14	1.46 0.10	1.10 0.07	1.40 0.06		
a5	1.00 0.05	1.21 0.07	1.18 0.08	1.21 0.16	1.42 0.11	1.49 0.08	1.30 0.10	1.29 0.18	1.21 0.14	1.10 0.08	1.16 0.07	1.21 0.06	
a2	1.29 0.20	1.07 0.20	1.52 0.24	1.54 0.26	1.82 0.31	1.92 0.34	1.67 0.28	1.65 0.28	1.54 0.28	1.17 0.20	1.49 0.31	1.07 0.19	1.30 0.26

Fig. S-1-10

Peptide: **IAGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	b7z7	b6	b5	a7	a6
z5	1.14 0.03										
y6	1.03 0.06	1.11 0.06									
y5	1.13 0.09	1.29 0.12	1.16 0.04								
y4	1.04 0.10	1.10 0.11	1.01 0.05	1.17 0.04							
y2	1.07 0.12	1.08 0.13	1.04 0.07	1.20 0.05	1.02 0.03						
b7z7	1.28 0.13	1.12 0.09	1.24 0.15	1.44 0.22	1.23 0.17	1.20 0.18					
b6	1.12 0.09	1.28 0.12	1.15 0.05	1.01 0.01	1.16 0.04	1.19 0.06	1.43 0.23				
b5	1.07 0.09	1.23 0.12	1.10 0.05	1.05 0.02	1.11 0.02	1.14 0.04	1.37 0.20	1.04 0.02			
a7	1.02 0.04	1.17 0.03	1.05 0.04	1.10 0.08	1.06 0.08	1.09 0.11	1.31 0.11	1.09 0.08	1.05 0.08		
a6	1.09 0.06	1.05 0.07	1.06 0.02	1.23 0.03	1.05 0.04	1.03 0.06	1.17 0.15	1.22 0.03	1.17 0.04	1.12 0.05	
a5	1.10 0.07	1.04 0.07	1.07 0.02	1.24 0.03	1.06 0.04	1.04 0.06	1.16 0.15	1.23 0.04	1.18 0.04	1.13 0.05	1.01 0.02

Fig. S-1-11

Peptide: **ISGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	b7c	b6c	b5	b2m	a7	a6
z5	1.12 0.05											
y6	1.20 0.03	1.34 0.03										
y5	1.29 0.09	1.44 0.09	1.07 0.06									
y4	1.42 0.04	1.58 0.05	1.18 0.03	1.10 0.06								
y2	1.89 0.06	2.11 0.05	1.57 0.03	1.46 0.10	1.33 0.02							
b7	1.39 0.05	1.55 0.11	1.16 0.06	1.08 0.06	1.02 0.05	1.36 0.08						
b6	1.39 0.09	1.55 0.08	1.16 0.05	1.08 0.05	1.02 0.04	1.36 0.07	1.00 0.09					
b5	1.30 0.07	1.45 0.06	1.08 0.04	1.01 0.04	1.09 0.03	1.45 0.06	1.07 0.08	1.07 0.01				
b2	1.22 0.09	1.09 0.08	1.46 0.08	1.57 0.12	1.72 0.12	2.30 0.15	1.69 0.07	1.69 0.16	1.58 0.14			
a7	1.18 0.03	1.31 0.09	1.02 0.05	1.09 0.09	1.20 0.06	1.60 0.08	1.18 0.03	1.18 0.11	1.10 0.09	1.44 0.07		
a6	1.24 0.08	1.11 0.06	1.49 0.06	1.60 0.13	1.75 0.11	2.33 0.13	1.72 0.13	1.72 0.12	1.61 0.10	1.01 0.05	1.46 0.09	
a5	1.09 0.06	1.02 0.04	1.31 0.05	1.41 0.13	1.54 0.07	2.06 0.05	1.51 0.11	1.52 0.10	1.42 0.09	1.12 0.08	1.28 0.08	1.14 0.07

Fig. S-1-12

Peptide: **IFGPVLCa** no CID applied

	z6	z5	y6	y5	b7z7	b6	b5	b2m	a7	a6	a5	a3
z5	1.19 0.08											
y6	1.22 0.04	1.45 0.08										
y5	1.27 0.08	1.50 0.08	1.04 0.03									
b7z7	1.50 0.08	1.78 0.10	1.23 0.03	1.18 0.01								
b6	1.42 0.11	1.69 0.09	1.17 0.05	1.12 0.02	1.05 0.03							
b5	1.28 0.06	1.51 0.06	1.05 0.02	1.01 0.02	1.17 0.02	1.11 0.03						
b2	1.06 0.08	1.26 0.08	1.15 0.05	1.19 0.04	1.41 0.05	1.34 0.05	1.20 0.05					
a7	1.31 0.03	1.56 0.12	1.07 0.02	1.03 0.05	1.15 0.05	1.09 0.07	1.03 0.04	1.23 0.07				
a6	1.05 0.04	1.13 0.07	1.28 0.02	1.33 0.05	1.57 0.04	1.49 0.08	1.34 0.04	1.11 0.04	1.37 0.04			
a5	1.59 0.11	1.88 0.08	1.30 0.05	1.25 0.01	1.06 0.02	1.11 0.01	1.24 0.03	1.50 0.06	1.21 0.07	1.66 0.07		
a3	1.42 0.06	1.68 0.07	1.16 0.04	1.12 0.04	1.06 0.04	1.00 0.06	1.11 0.03	1.34 0.08	1.08 0.06	1.49 0.06	1.12 0.05	
a2	1.45 0.08	1.22 0.06	1.76 0.05	1.83 0.06	2.17 0.06	2.06 0.11	1.85 0.05	1.53 0.05	1.89 0.09	1.38 0.04	2.29 0.10	2.05 0.06

Fig. S-1-13

Peptide: **IIFPVLCa** no CID applied

	z6	y6	y5	y4	y2	PVL	FPV L	b7z7	b6	b5	b4z4	b3z3	a7	a6
y6	2.52 0.13													
y5	2.09 0.13	5.27 0.18												
y4	2.25 0.14	5.68 0.17	1.08 0.02											
y2	1.33 0.07	3.35 0.13	1.57 0.07	1.70 0.05										
PVL	1.12 0.06	2.82 0.10	1.87 0.11	2.01 0.09	1.19 0.03									
FPVL	1.00 0.04	2.53 0.11	2.08 0.15	2.25 0.13	1.32 0.04	1.12 0.04								
b7z7	2.66 0.65	6.66 1.49	1.26 0.30	1.17 0.26	1.99 0.47	2.35 0.52	2.64 0.66							
b6	2.87 0.17	7.25 0.21	1.37 0.01	1.28 0.02	2.16 0.09	2.57 0.14	2.86 0.18	1.15 0.31						
b5	1.82 0.12	4.58 0.13	1.15 0.03	1.24 0.01	1.37 0.04	1.62 0.07	1.81 0.10	1.45 0.33	1.58 0.03					
b4z4	1.88 0.13	4.74 0.09	1.11 0.04	1.20 0.03	1.41 0.05	1.68 0.05	1.87 0.11	1.40 0.30	1.53 0.04	1.03 0.02				
b3z3	1.30 0.06	3.28 0.12	1.61 0.08	1.73 0.06	1.02 0.01	1.16 0.02	1.30 0.04	2.03 0.48	2.21 0.09	1.40 0.05	1.45 0.06			
a7	2.28 0.08	5.75 0.13	1.09 0.04	1.01 0.03	1.72 0.07	2.04 0.11	2.27 0.07	1.16 0.28	1.26 0.04	1.26 0.04	1.22 0.05	1.76 0.07		
a6	1.89 0.08	4.76 0.22	1.11 0.08	1.19 0.07	1.42 0.09	1.69 0.09	1.88 0.11	1.40 0.33	1.52 0.10	1.04 0.07	1.00 0.07	1.45 0.07	1.21 0.05	
a5	1.38 0.05	3.49 0.07	1.51 0.07	1.63 0.06	1.04 0.02	1.24 0.03	1.38 0.04	1.91 0.44	2.08 0.08	1.31 0.05	1.36 0.05	1.07 0.05	1.65 0.04	1.36 0.06

Fig. S-1-14

Peptide: **IIPVLCa** no CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	PVL	b7	b6	b5	b4	b3	APV L	a7	a6
z5	1.06 0.09															
z4	1.73 0.06	1.83 0.08														
y6	2.49 0.04	2.36 0.17	4.30 0.14													
y5	2.13 0.20	2.25 0.15	1.23 0.10	5.29 0.41												
y4	2.52 0.19	2.66 0.17	1.46 0.09	6.27 0.37	1.18 0.03											
y2	1.45 0.03	1.53 0.11	1.19 0.03	3.60 0.03	1.47 0.13	1.74 0.11										
PVL	1.06 0.04	1.00 0.06	1.83 0.06	2.35 0.05	2.25 0.19	2.66 0.17	1.53 0.03									
b7	2.04 0.58	2.13 0.57	1.17 0.33	5.05 1.33	1.12 0.24	1.33 0.27	1.40 0.39	2.14 0.61								
b6	2.78 0.28	2.94 0.22	1.61 0.14	6.90 0.57	1.31 0.02	1.10 0.03	1.92 0.17	2.93 0.26	1.46 0.31							
b5	1.76 0.11	1.86 0.12	1.02 0.05	4.38 0.19	1.21 0.05	1.43 0.03	1.22 0.06	1.86 0.09	1.14 0.28	1.57 0.06						
b4	1.49 0.09	1.58 0.14	1.16 0.08	3.71 0.18	1.42 0.09	1.69 0.07	1.03 0.06	1.58 0.10	1.35 0.34	1.86 0.09	1.18 0.03					
b3	1.02 0.03	1.08 0.08	1.70 0.05	2.53 0.11	2.09 0.24	2.48 0.23	1.43 0.05	1.08 0.04	2.01 0.63	2.73 0.32	1.73 0.13	1.47 0.14				
APV L	1.55 0.04	1.47 0.10	2.69 0.09	1.60 0.03	3.30 0.27	3.91 0.24	2.25 0.04	1.47 0.03	3.15 0.88	4.31 0.36	2.74 0.14	2.31 0.14	1.58 0.05			
a7	2.12 0.12	2.24 0.12	1.22 0.06	5.27 0.20	1.00 0.07	1.19 0.06	1.46 0.06	2.24 0.06	1.12 0.28	1.31 0.09	1.20 0.05	1.42 0.08	2.08 0.12	3.29 0.10		
a6	1.71 0.06	1.81 0.11	1.01 0.03	4.25 0.13	1.24 0.11	1.47 0.11	1.18 0.03	1.81 0.03	1.19 0.36	1.62 0.15	1.03 0.06	1.15 0.09	1.68 0.06	2.65 0.07	1.24 0.03	
a5	1.19 0.08	1.26 0.04	1.45 0.04	2.96 0.19	1.79 0.12	2.12 0.13	1.22 0.07	1.26 0.08	1.70 0.49	2.33 0.17	1.48 0.08	1.25 0.10	1.17 0.07	1.85 0.11	1.78 0.11	1.44 0.07

Fig. S-1-15

Peptide: **IIPVLCa** no CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	PV L	KP VL	KP V	IK	b7z 7	b6	b5	b4	b3	b2	a7	a6	a5			
z5	1.37 0.07																						
z4	1.35 0.09	1.85 0.07																					
y6	3.46 0.28	4.74 0.11	2.56 0.12																				
y5	1.41 0.09	1.93 0.10	1.04 0.08	2.46 0.09																			
y4	1.20 0.08	1.65 0.06	1.13 0.08	2.88 0.07	1.17 0.02																		
y2	1.65 0.08	2.26 0.03	1.22 0.03	2.10 0.07	1.17 0.07	1.37 0.07																	
PV L	1.93 0.09	2.65 0.04	1.43 0.05	1.79 0.06	1.37 0.06	1.61 0.06	1.17 0.02																
KP VL	1.25 0.07	1.09 0.01	1.70 0.08	4.35 0.09	1.77 0.07	1.51 0.04	2.07 0.05	2.43 0.04															
KP V	1.03 0.07	1.32 0.04	1.40 0.04	3.58 0.12	1.46 0.08	1.24 0.05	1.71 0.05	2.00 0.05	1.21 0.03														
IK	3.88 0.23	5.31 0.08	2.87 0.11	1.12 0.03	2.75 0.16	3.23 0.15	2.35 0.04	2.00 0.06	4.87 0.10	4.01 0.15													
b7z 7	1.24 0.18	1.70 0.15	1.09 0.12	2.78 0.18	1.13 0.10	1.03 0.08	1.33 0.13	1.55 0.14	1.56 0.13	1.28 0.13	3.11 0.28												
b6	1.29 0.12	1.77 0.13	1.05 0.11	2.69 0.15	1.09 0.03	1.07 0.04	1.28 0.11	1.50 0.11	1.62 0.10	1.34 0.10	3.01 0.25	1.04 0.09											
b5	1.52 0.12	2.09 0.12	1.13 0.09	2.27 0.12	1.08 0.05	1.27 0.05	1.08 0.07	1.27 0.06	1.91 0.10	1.58 0.08	2.54 0.18	1.23 0.07	1.18 0.06										
b4	1.39 0.10	1.91 0.04	1.03 0.03	2.49 0.07	1.01 0.05	1.16 0.05	1.19 0.03	1.39 0.04	1.75 0.03	1.44 0.02	2.79 0.06	1.12 0.10	1.08 0.09	1.10 0.07									
b3	2.40 0.15	3.29 0.12	1.78 0.10	1.44 0.03	1.71 0.04	2.00 0.04	1.46 0.06	1.24 0.04	3.02 0.07	2.49 0.08	1.61 0.07	1.93 0.15	1.87 0.09	1.58 0.06	1.73 0.05								
b2	1.86 0.09	2.54 0.05	1.37 0.04	1.86 0.07	1.32 0.09	1.55 0.09	1.12 0.01	1.04 0.03	2.33 0.07	1.92 0.06	2.09 0.03	1.49 0.15	1.44 0.14	1.22 0.09	1.34 0.04	1.29 0.07							
a7	1.12 0.20	1.20 0.18	1.52 0.23	3.90 0.47	1.59 0.21	1.35 0.18	1.85 0.27	2.17 0.30	1.10 0.15	1.09 0.13	4.35 0.62	1.40 0.13	1.45 0.21	1.72 0.18	1.56 0.20	2.71 0.31	2.08 0.32						
a6	1.19 0.09	1.15 0.05	1.61 0.11	4.13 0.21	1.68 0.14	1.43 0.09	1.97 0.10	2.31 0.13	1.05 0.05	1.15 0.09	4.63 0.17	1.48 0.12	1.54 0.15	1.82 0.18	1.66 0.10	2.87 0.19	2.22 0.10	1.05 0.20					
a5	1.17 0.05	1.60 0.03	1.16 0.03	2.97 0.10	1.21 0.06	1.03 0.04	1.42 0.02	1.66 0.02	1.47 0.04	1.21 0.03	3.32 0.10	1.06 0.11	1.11 0.09	1.31 0.07	1.19 0.04	2.06 0.07	1.59 0.04	1.31 0.04	1.39 0.08				
a2	1.77 0.08	2.42 0.14	1.31 0.07	1.95 0.15	1.25 0.14	1.47 0.14	1.07 0.05	1.09 0.07	2.22 0.15	1.83 0.13	2.19 0.11	1.42 0.19	1.37 0.18	1.16 0.13	1.27 0.13	1.36 0.13	1.05 0.08	1.98 0.04	2.11 0.39	1.52 0.12	0.09 0.09		

Fig. S-1-16

Peptide: **IIDPVLCa** no CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	PVL	DPV L	DPV	b7z7	b6	b5	b4	b3	a7	a6
z5	1.85 0.10																
z4	1.46 0.04	1.26 0.07															
y6	3.31 0.05	1.79 0.08	2.26 0.07														
y5	1.05 0.03	1.94 0.13	1.54 0.08	3.48 0.13													
y4	1.14 0.03	2.10 0.15	1.66 0.09	3.76 0.14	1.08 0.02												
y2	1.06 0.03	1.95 0.16	1.55 0.09	3.50 0.16	1.00 0.02	1.07 0.03											
PVL	2.20 0.07	1.19 0.09	1.50 0.08	1.50 0.07	2.32 0.07	2.50 0.08	2.33 0.03										
DPV L	2.25 0.10	1.21 0.10	1.53 0.11	1.47 0.07	2.37 0.07	2.55 0.04	2.38 0.10	1.02 0.05									
DPV	1.79 0.07	1.03 0.06	1.22 0.08	1.85 0.08	1.89 0.04	2.03 0.04	1.90 0.07	1.23 0.06	1.25 0.03								
b7z7	1.82 0.11	1.02 0.07	1.25 0.09	1.82 0.10	1.92 0.13	2.07 0.10	1.93 0.13	1.21 0.08	1.23 0.06	1.02 0.06							
b6	1.13 0.03	2.09 0.15	1.65 0.09	3.74 0.14	1.07 0.02	1.01 0.01	1.07 0.02	2.49 0.06	2.54 0.06	2.02 0.05	2.06 0.11						
b5	1.01 0.03	1.83 0.13	1.45 0.08	3.28 0.13	1.06 0.02	1.15 0.01	1.07 0.02	2.18 0.05	2.23 0.05	1.78 0.05	1.81 0.09	1.14 0.00					
b4	1.07 0.05	1.98 0.09	1.56 0.10	3.54 0.13	1.02 0.06	1.06 0.06	1.01 0.07	2.35 0.16	2.40 0.16	1.92 0.11	1.95 0.17	1.06 0.07	1.08 0.06				
b3	2.10 0.04	1.14 0.07	1.44 0.06	1.57 0.04	2.22 0.03	2.39 0.05	2.23 0.05	1.05 0.03	1.07 0.03	1.17 0.04	1.15 0.08	2.38 0.04	2.09 0.04	2.25 0.11			
a7	1.70 0.28	3.13 0.60	2.49 0.35	5.62 0.98	1.61 0.29	1.49 0.28	1.60 0.26	3.73 0.58	3.80 0.80	3.03 0.63	3.10 0.63	1.50 0.27	1.71 0.31	1.58 0.32	3.57 0.62		
a6	1.15 0.04	2.12 0.17	1.68 0.10	3.80 0.20	1.09 0.03	1.01 0.04	1.08 0.02	2.52 0.03	2.58 0.14	2.05 0.11	2.09 0.17	1.02 0.03	1.16 0.04	1.07 0.04	2.41 0.08	1.48 0.07	
a5	1.09 0.03	2.01 0.12	1.59 0.07	3.60 0.12	1.03 0.04	1.05 0.05	1.03 0.04	2.39 0.07	2.44 0.15	1.95 0.11	1.98 0.13	1.04 0.04	1.10 0.04	1.02 0.05	2.29 0.08	1.56 0.23	1.06 0.03

Fig. S-1-17

Peptide: **IISPVLCa** no CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	SPV L	SPV	b7z7	b6	b5	b4	b3	a7	a6
z5	1.32 0.06															
z4	1.01 0.06	1.33 0.03														
y6	2.70 0.09	2.05 0.10	2.73 0.20													
y5	1.57 0.08	2.07 0.09	1.55 0.06	4.25 0.16												
y4	1.77 0.06	2.34 0.06	1.75 0.07	4.79 0.16	1.13 0.02											
y2	1.46 0.04	1.92 0.03	1.44 0.05	3.94 0.16	1.08 0.05	1.22 0.03										
SPV L	1.71 0.10	1.30 0.07	1.73 0.09	1.58 0.11	2.69 0.13	3.03 0.13	2.49 0.12									
SPV	1.03 0.05	1.29 0.03	1.04 0.05	2.63 0.10	1.61 0.06	1.82 0.03	1.49 0.05	1.67 0.10								
b7z7	2.02 0.06	2.66 0.18	1.99 0.16	5.45 0.30	1.28 0.08	1.14 0.06	1.38 0.07	3.45 0.25	2.07 0.15							
b6	2.03 0.10	2.67 0.12	2.00 0.10	5.47 0.22	1.29 0.01	1.14 0.03	1.39 0.06	3.46 0.15	2.08 0.09	1.00 0.07						
b5	1.34 0.05	1.76 0.06	1.32 0.04	3.61 0.17	1.18 0.03	1.33 0.03	1.09 0.03	2.28 0.05	1.37 0.05	1.51 0.09	1.52 0.04					
b4	1.31 0.09	1.72 0.16	1.29 0.15	3.53 0.21	1.20 0.10	1.36 0.11	1.11 0.09	2.24 0.28	1.34 0.09	1.55 0.08	1.55 0.14	1.02 0.10				
b3	1.25 0.07	1.06 0.03	1.26 0.02	2.16 0.13	1.96 0.06	2.21 0.06	1.82 0.07	1.37 0.07	1.22 0.05	2.52 0.19	2.53 0.09	1.67 0.05	1.63 0.19			
a7	1.69 0.10	2.23 0.08	1.67 0.09	4.56 0.16	1.07 0.05	1.05 0.04	1.16 0.05	2.89 0.23	1.73 0.04	1.20 0.10	1.20 0.06	1.27 0.07	1.29 0.09	2.11 0.11		
a6	1.31 0.04	1.73 0.05	1.30 0.06	3.55 0.08	1.20 0.04	1.35 0.02	1.11 0.02	2.25 0.12	1.35 0.03	1.54 0.09	1.54 0.06	1.02 0.03	1.00 0.07	1.64 0.07	1.29 0.03	
a5	1.15 0.04	1.52 0.05	1.14 0.06	3.11 0.10	1.36 0.08	1.54 0.06	1.26 0.03	1.98 0.13	1.18 0.04	1.75 0.11	1.76 0.11	1.16 0.05	1.13 0.08	1.44 0.09	1.46 0.03	1.14 0.02

Fig. S-1-18

Peptide: **IIPVLCa** no CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	b7z7	b6	b5	b4	b3	b2	a7	a6	a5
z5	1.21 0.08															
z4	2.38 0.13	1.97 0.17														
y6	2.39 0.10	2.89 0.16	5.69 0.25													
y5	2.48 0.13	2.05 0.18	1.04 0.06	5.92 0.27												
y4	2.86 0.15	2.36 0.17	1.20 0.07	6.84 0.23	1.15 0.02											
y2	1.32 0.06	1.09 0.05	1.80 0.08	3.16 0.04	1.88 0.09	2.16 0.07										
b7z7	3.95 1.08	3.25 0.76	1.66 0.39	9.42 2.15	1.60 0.36	1.38 0.31	2.98 0.66									
b6	3.91 0.24	3.23 0.31	1.64 0.11	9.35 0.51	1.58 0.02	1.37 0.03	2.96 0.17	1.01 0.22								
b5	1.91 0.11	1.57 0.14	1.25 0.09	4.56 0.23	1.30 0.02	1.50 0.03	1.44 0.08	2.07 0.47	2.05 0.05							
b4	2.27 0.21	1.87 0.11	1.05 0.08	5.42 0.32	1.09 0.05	1.26 0.05	1.72 0.08	1.74 0.32	1.73 0.08	1.19 0.07						
b3	1.90 0.12	1.57 0.19	1.25 0.08	4.55 0.31	1.30 0.04	1.50 0.07	1.44 0.10	2.08 0.47	2.06 0.06	1.00 0.04	1.19 0.09					
b2	2.30 0.19	2.77 0.17	5.48 0.46	1.04 0.05	5.69 0.28	6.57 0.24	3.03 0.14	9.03 1.78	8.99 0.53	4.38 0.23	5.20 0.15	4.38 0.36				
a7	4.12 0.57	3.41 0.32	1.74 0.21	9.86 1.03	1.67 0.22	1.44 0.18	3.12 0.30	1.08 0.23	1.05 0.14	2.16 0.31	1.82 0.17	2.17 0.32	9.47 1.04			
a6	3.18 0.27	2.63 0.27	1.33 0.04	7.59 0.54	1.28 0.10	1.11 0.08	2.41 0.17	1.25 0.26	1.23 0.09	1.66 0.15	1.40 0.12	1.67 0.11	7.31 0.80	1.30 0.13		
a5	2.23 0.07	1.84 0.16	1.07 0.05	5.33 0.20	1.11 0.07	1.28 0.07	1.69 0.08	1.77 0.45	1.75 0.13	1.17 0.07	1.02 0.10	1.17 0.07	5.12 0.41	1.85 0.27	1.42 0.11	
a2	1.38 0.59	1.70 0.73	3.26 1.35	1.92 0.72	3.42 1.69	3.97 1.92	1.84 0.84	5.65 3.38	5.40 2.71	2.64 1.35	3.18 1.65	2.61 1.30	1.87 0.78	5.78 2.73	4.35 1.81	3.07 1.36

Fig. S-1-19

Peptide: **IIGPVLCa**

CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	GPV L	GPV	GP	b7	b6	b5	a7	a6
z5	1.35 0.09													
y6	1.15 0.03	1.55 0.11												
y5	1.19 0.06	1.61 0.14	1.04 0.05											
y4	1.56 0.07	2.11 0.16	1.36 0.05	1.31 0.02										
y2	1.03 0.05	1.40 0.09	1.11 0.04	1.15 0.05	1.51 0.05									
GPVL	1.35 0.04	1.00 0.05	1.55 0.04	1.61 0.08	2.11 0.08	1.39 0.02								
GPV	1.15 0.07	1.17 0.10	1.32 0.06	1.37 0.06	1.80 0.07	1.19 0.04	1.17 0.05							
GP	1.13 0.10	1.19 0.12	1.30 0.09	1.35 0.10	1.77 0.12	1.17 0.04	1.19 0.06	1.02 0.03						
b7	1.46 0.08	1.96 0.13	1.27 0.09	1.23 0.08	1.07 0.07	1.41 0.10	1.97 0.14	1.68 0.11	1.65 0.13					
b6	1.28 0.07	1.73 0.17	1.12 0.06	1.08 0.01	1.22 0.02	1.24 0.06	1.73 0.10	1.48 0.06	1.45 0.10	1.14 0.07				
b5	1.16 0.05	1.56 0.13	1.01 0.04	1.03 0.01	1.35 0.01	1.12 0.04	1.56 0.07	1.34 0.05	1.31 0.09	1.26 0.08	1.11 0.01			
a7	1.22 0.04	1.65 0.09	1.07 0.03	1.03 0.07	1.28 0.07	1.18 0.05	1.65 0.04	1.41 0.09	1.38 0.11	1.19 0.09	1.05 0.08	1.06 0.06		
a6	1.20 0.02	1.13 0.08	1.37 0.04	1.43 0.07	1.87 0.08	1.24 0.06	1.13 0.04	1.04 0.06	1.06 0.08	1.75 0.10	1.54 0.08	1.39 0.06	1.47 0.06	
a5	1.11 0.03	1.22 0.09	1.27 0.04	1.32 0.06	1.73 0.07	1.15 0.03	1.22 0.03	1.04 0.04	1.02 0.06	1.62 0.11	1.42 0.08	1.28 0.05	1.36 0.05	1.08 0.03

Fig. S-1-20

Peptide: **GIGPVLCa** CID applied

	y5	y4	y2	IGP VL	GPV	b7	b6	b5	a7	a6
y4	1.08 0.04									
y2	1.13 0.05	1.21 0.04								
IGPVL	1.01 0.06	1.07 0.05	1.13 0.05							
GPV	1.04 0.05	1.04 0.05	1.17 0.02	1.03 0.05						
b7	1.27 0.11	1.37 0.08	1.13 0.07	1.28 0.06	1.32 0.10					
b6	1.13 0.02	1.22 0.04	1.00 0.03	1.14 0.05	1.17 0.04	1.13 0.09				
b5	1.00 0.01	1.08 0.03	1.12 0.04	1.01 0.05	1.04 0.04	1.27 0.10	1.13 0.01			
a7	1.04 0.05	1.12 0.02	1.08 0.03	1.05 0.04	1.08 0.05	1.23 0.05	1.09 0.04	1.04 0.04		
a6	1.33 0.16	1.44 0.11	1.18 0.11	1.34 0.09	1.38 0.14	1.04 0.04	1.18 0.13	1.33 0.15	1.28 0.09	
a5	1.72 0.05	1.86 0.03	1.53 0.04	1.73 0.09	1.79 0.07	1.35 0.08	1.53 0.04	1.72 0.04	1.66 0.03	1.29 0.11

Fig. S-1-21

Peptide: **KIGPVLCa** CID applied

	z5	Y7	Y6	y5	y4	y2	IGP VL	IGP V	GPV	b7	b6	b5	a7	a6	a5
Y7	2.95 0.99														
Y6	1.72 0.06	5.04 1.61													
y5	1.03 0.04	2.84 0.84	1.78 0.04												
y4	1.11 0.04	3.25 1.03	1.55 0.02	1.15 0.02											
y2	1.19 0.01	2.49 0.86	2.04 0.09	1.15 0.06	1.32 0.06										
IGPVL	1.03 0.11	3.03 0.74	1.66 0.13	1.07 0.08	1.07 0.09	1.23 0.15									
IGPV	1.23 0.06	2.38 0.99	2.11 0.14	1.19 0.10	1.36 0.10	1.03 0.05	1.27 0.18								
GPV	1.26 0.02	2.33 0.79	2.17 0.05	1.22 0.05	1.40 0.04	1.06 0.02	1.30 0.13	1.03 0.05							
b7	1.14 0.07	2.57 0.76	1.96 0.08	1.10 0.03	1.26 0.04	1.05 0.08	1.17 0.11	1.08 0.12	1.11 0.07						
b6	1.16 0.06	2.52 0.74	2.00 0.05	1.12 0.01	1.29 0.02	1.02 0.06	1.20 0.09	1.06 0.10	1.09 0.05	1.02 0.03					
b5	1.11 0.03	2.66 0.83	1.90 0.04	1.07 0.01	1.23 0.02	1.08 0.04	1.14 0.10	1.11 0.08	1.14 0.03	1.03 0.04	1.05 0.02				
a7	1.06 0.03	2.79 0.82	1.82 0.09	1.02 0.05	1.17 0.06	1.12 0.04	1.09 0.11	1.16 0.09	1.19 0.04	1.08 0.08	1.10 0.06	1.05 0.04			
a6	1.39 0.04	2.13 0.74	2.39 0.16	1.34 0.09	1.54 0.09	1.17 0.03	1.43 0.21	1.13 0.07	1.10 0.05	1.22 0.10	1.19 0.09	1.26 0.07	1.31 0.06		
a5	1.47 0.02	2.01 0.65	2.52 0.08	1.42 0.04	1.63 0.04	1.24 0.03	1.52 0.15	1.19 0.08	1.16 0.02	1.29 0.06	1.26 0.04	1.33 0.02	1.39 0.04	1.06 0.04	
a4	1.11 0.01	2.65 0.89	1.91 0.06	1.08 0.04	1.24 0.04	1.07 0.02	1.15 0.13	1.10 0.06	1.13 0.02	1.02 0.06	1.04 0.05	1.01 0.02	1.05 0.03	1.25 0.04	1.32 0.02

Fig. S-1-22

Peptide: **EIGPVLCa**

CID applied

	z5	y6	Y6	y5	y4	y2	IGP V	GPV	b7- 18	b7	b6- 18	b6	b5- 18	b5	a7	a6	a5
y6	1.10 0.11																
Y6	1.15 0.14	1.26 0.06															
y5	1.65 0.11	1.50 0.06	1.90 0.13														
y4	1.41 0.10	1.28 0.04	1.62 0.09	1.18 0.02													
y2	1.31 0.11	1.19 0.04	1.50 0.07	1.26 0.04	1.07 0.02												
IGPV	1.04 0.10	1.15 0.05	1.10 0.06	1.73 0.08	1.47 0.06	1.37 0.08											
GPV	1.03 0.11	1.14 0.05	1.11 0.06	1.72 0.13	1.46 0.08	1.36 0.06	1.01 0.09										
b7-18	1.04 0.10	1.06 0.07	1.20 0.10	1.59 0.09	1.35 0.06	1.25 0.05	1.09 0.09	1.08 0.04									
b7	3.02 0.40	3.34 0.37	2.64 0.31	5.02 0.55	4.27 0.44	3.97 0.35	2.90 0.43	2.93 0.17	3.17 0.18								
b6-18	1.14 0.14	1.04 0.11	1.31 0.19	1.46 0.10	1.25 0.10	1.16 0.11	1.19 0.12	1.18 0.16	1.09 0.13	3.45 0.58							
b6	1.52 0.12	1.38 0.07	1.75 0.11	1.09 0.02	1.08 0.03	1.16 0.04	1.59 0.04	1.58 0.12	1.45 0.10	4.60 0.60	1.34 0.11						
b5-18	1.13 0.08	1.25 0.05	1.01 0.06	1.88 0.04	1.60 0.01	1.49 0.02	1.09 0.05	1.10 0.06	1.18 0.05	2.67 0.27	1.29 0.11	1.73 0.04					
b5	1.19 0.09	1.08 0.04	1.37 0.07	1.39 0.03	1.18 0.01	1.10 0.02	1.25 0.05	1.24 0.07	1.14 0.05	3.62 0.38	1.06 0.09	1.27 0.03	1.36 0.01				
a7	1.11 0.10	1.23 0.05	1.03 0.05	1.84 0.08	1.57 0.04	1.46 0.02	1.06 0.07	1.07 0.03	1.16 0.05	2.73 0.20	1.27 0.13	1.69 0.08	1.02 0.03	1.33 0.04			
a6	1.45 0.10	1.61 0.11	1.27 0.09	2.41 0.08	2.05 0.08	1.91 0.09	1.39 0.06	1.40 0.12	1.52 0.12	2.08 0.27	1.65 0.12	2.21 0.07	1.28 0.04	1.74 0.06	1.31 0.08		
a5	1.99 0.13	2.20 0.12	1.74 0.13	3.31 0.08	2.81 0.07	2.62 0.08	1.91 0.12	1.93 0.10	2.08 0.09	1.52 0.13	2.27 0.18	3.04 0.13	1.76 0.04	2.39 0.07	1.80 0.05	1.37 0.06	
a2	1.19 0.10	1.32 0.06	1.04 0.09	1.98 0.12	1.68 0.08	1.57 0.08	1.14 0.07	1.15 0.03	1.25 0.05	2.54 0.20	1.36 0.15	1.82 0.11	1.05 0.05	1.43 0.07	1.08 0.05	1.22 0.08	1.67 0.09

Fig. S-1-23

Peptide: **FIGPVLCa**

CID applied

	z5	y6	y5	y4	IGP VL	IGP V	GPV	GP	b7	b6	b5	b3	a7	a6	a5Y4	a3
y6	1.24 0.04															
y5	1.28 0.02	1.03 0.02														
y4	1.49 0.04	1.20 0.04	1.16 0.01													
IGPVL	1.05 0.02	1.30 0.02	1.34 0.01	1.56 0.03												
IGPV	1.05 0.02	1.31 0.05	1.35 0.02	1.57 0.02	1.00 0.02											
GPV	1.10 0.04	1.13 0.04	1.16 0.04	1.36 0.06	1.15 0.03	1.16 0.04										
GP	1.08 0.04	1.15 0.04	1.19 0.04	1.38 0.06	1.13 0.03	1.14 0.04	1.02 0.01									
b7	1.44 0.05	1.16 0.03	1.13 0.04	1.03 0.05	1.51 0.04	1.52 0.07	1.31 0.05	1.34 0.06								
b6	1.27 0.03	1.02 0.03	1.01 0.01	1.17 0.01	1.33 0.02	1.34 0.02	1.16 0.05	1.18 0.05	1.14 0.05							
b5	1.24 0.03	1.00 0.02	1.03 0.01	1.20 0.02	1.30 0.01	1.31 0.02	1.13 0.03	1.15 0.03	1.16 0.04	1.02 0.01						
b3	1.12 0.02	1.10 0.04	1.14 0.02	1.33 0.03	1.18 0.03	1.18 0.03	1.02 0.02	1.04 0.02	1.28 0.06	1.13 0.03	1.11 0.03					
a7	1.17 0.04	1.06 0.04	1.09 0.03	1.27 0.05	1.23 0.04	1.23 0.06	1.06 0.07	1.09 0.07	1.23 0.04	1.09 0.04	1.06 0.04	1.04 0.05				
a6	1.21 0.03	1.49 0.02	1.54 0.02	1.79 0.04	1.15 0.01	1.14 0.03	1.32 0.05	1.30 0.05	1.74 0.05	1.53 0.03	1.50 0.03	1.35 0.03	1.41 0.04			
a5Y4	1.20 0.01	1.49 0.04	1.54 0.02	1.79 0.04	1.15 0.02	1.14 0.03	1.32 0.05	1.30 0.04	1.74 0.05	1.53 0.03	1.49 0.03	1.35 0.03	1.41 0.04	1.00 0.01		
a3	1.22 0.03	1.01 0.03	1.05 0.03	1.22 0.04	1.28 0.03	1.29 0.04	1.11 0.02	1.14 0.02	1.18 0.04	1.04 0.04	1.01 0.04	1.09 0.02	1.05 0.05	1.47 0.04	1.47 0.03	
a2	1.09 0.03	1.14 0.04	1.17 0.05	1.37 0.07	1.14 0.04	1.15 0.05	1.01 0.02	1.01 0.02	1.32 0.05	1.17 0.06	1.14 0.04	1.03 0.03	1.07 0.03	1.31 0.06	1.31 0.05	1.12 0.02

Fig. S-1-24

Peptide: **SIGPVLCa** CID applied

	z5	y5	y4	y2	IGP V	GPV	GP	b7- 18	b7	b6- 18	b6	b5- 18	b5	a7	a6	a5
y5	1.18 0.04															
y4	1.01 0.04	1.17 0.04														
y2	1.05 0.05	1.24 0.05	1.06 0.02													
IGPV	1.20 0.03	1.42 0.05	1.21 0.04	1.14 0.05												
GPV	1.08 0.05	1.27 0.04	1.09 0.02	1.02 0.02	1.11 0.05											
GP	1.13 0.05	1.33 0.05	1.14 0.02	1.08 0.02	1.06 0.06	1.05 0.02										
b7-18	1.03 0.07	1.14 0.09	1.02 0.07	1.09 0.09	1.24 0.10	1.11 0.08	1.17 0.09									
b7	1.35 0.21	1.60 0.30	1.37 0.22	1.29 0.23	1.13 0.19	1.26 0.23	1.20 0.21	1.40 0.15								
b6-18	1.19 0.09	1.41 0.16	1.20 0.11	1.14 0.12	1.01 0.09	1.11 0.12	1.06 0.11	1.23 0.10	1.13 0.09							
b6	1.12 0.04	1.33 0.01	1.14 0.04	1.07 0.04	1.06 0.04	1.05 0.03	1.00 0.03	1.16 0.10	1.20 0.23	1.06 0.12						
b5-18	1.12 0.05	1.32 0.06	1.13 0.03	1.06 0.03	1.07 0.04	1.04 0.04	1.01 0.04	1.16 0.11	1.21 0.21	1.07 0.11	1.01 0.04					
b5	1.12 0.04	1.33 0.01	1.13 0.03	1.07 0.03	1.07 0.04	1.04 0.03	1.00 0.03	1.16 0.10	1.20 0.24	1.06 0.13	1.00 0.01	1.01 0.04				
a7	1.14 0.04	1.35 0.07	1.16 0.04	1.09 0.05	1.04 0.05	1.06 0.05	1.01 0.04	1.18 0.07	1.18 0.15	1.04 0.06	1.02 0.06	1.02 0.06				
a6	1.94 0.06	2.29 0.09	1.96 0.05	1.85 0.05	1.62 0.03	1.80 0.06	1.72 0.07	2.01 0.15	1.44 0.22	1.63 0.14	1.72 0.07	1.73 0.03	1.73 0.06	1.69 0.07		
a5	2.46 0.06	2.91 0.16	2.49 0.10	2.34 0.13	2.05 0.08	2.29 0.13	2.18 0.10	2.54 0.14	1.83 0.22	2.07 0.11	2.19 0.13	2.20 0.11	2.19 0.13	2.15 0.06	1.27 0.05	
a2	1.23 0.07	1.46 0.08	1.24 0.04	1.17 0.03	1.03 0.07	1.15 0.06	1.09 0.03	1.28 0.13	1.10 0.20	1.04 0.10	1.09 0.06	1.10 0.04	1.10 0.05	1.08 0.05	1.57 0.07	2.00 0.11

Fig. S-1-25

Peptide: **AIGPVLCa**

CID applied

	z5	y6	y5	y4	y2	IGP V	GP V	GP V-28	GP	b7	b6	b5	b4	b3	a7	a6	a5
y6	1.37 0.09																
y5	1.78 0.07	1.31 0.09															
y4	1.82 0.14	1.33 0.12	1.02 0.06														
y2	1.24 0.10	1.10 0.11	1.44 0.12	1.46 0.05													
IGP V	1.08 0.06	1.48 0.09	1.93 0.14	1.96 0.11	1.34 0.06												
GPV	1.12 0.15	1.54 0.25	2.00 0.24	2.03 0.14	1.39 0.10	1.04 0.13											
GPV -28	1.13 0.19	1.55 0.26	2.02 0.29	2.05 0.17	1.40 0.12	1.04 0.14	1.01 0.04										
GP	1.08 0.14	1.48 0.20	1.93 0.21	1.95 0.11	1.33 0.07	1.01 0.10	1.04 0.03	1.05 0.04									
b7	1.07 0.15	1.28 0.10	1.67 0.17	1.72 0.25	1.18 0.20	1.16 0.17	1.21 0.28	1.22 0.28	1.16 0.25								
b6	1.73 0.07	1.27 0.07	1.03 0.02	1.05 0.06	1.40 0.13	1.87 0.14	1.95 0.25	1.96 0.28	1.87 0.22	1.62 0.15							
b5	1.49 0.08	1.09 0.09	1.20 0.06	1.22 0.03	1.20 0.05	1.61 0.06	1.67 0.14	1.68 0.18	1.61 0.11	1.41 0.21	1.16 0.07						
b4	1.05 0.10	1.44 0.21	1.88 0.21	1.90 0.12	1.30 0.06	1.03 0.10	1.07 0.04	1.07 0.07	1.03 0.03	1.13 0.26	1.82 0.23	1.56 0.10					
b3	1.08 0.13	1.48 0.19	1.93 0.22	1.96 0.12	1.34 0.05	1.01 0.08	1.04 0.04	1.04 0.05	1.00 0.02	1.17 0.25	1.87 0.24	1.61 0.12	1.03 0.03				
a7	1.37 0.16	1.00 0.08	1.31 0.14	1.34 0.18	1.11 0.19	1.49 0.21	1.56 0.34	1.57 0.35	1.50 0.29	1.28 0.10	1.27 0.12	1.10 0.14	1.46 0.31	1.50 0.31			
a6	1.16 0.05	1.58 0.03	2.07 0.11	2.11 0.17	1.45 0.13	1.07 0.07	1.05 0.14	1.04 0.16	1.09 0.13	1.24 0.12	2.01 0.10	1.73 0.10	1.12 0.13	1.09 0.13	1.59 0.13		
a5	1.50 0.05	2.05 0.09	2.68 0.14	2.73 0.17	1.87 0.13	1.39 0.06	1.35 0.16	1.35 0.19	1.40 0.15	1.60 0.20	2.60 0.14	2.24 0.09	1.44 0.13	1.40 0.14	2.06 0.22	1.29 0.03	
a2	1.11 0.20	1.52 0.26	1.98 0.33	2.00 0.21	1.37 0.13	1.02 0.14	1.02 0.05	1.02 0.04	1.02 0.05	1.20 0.29	1.92 0.33	1.65 0.21	1.05 0.08	1.02 0.06	1.54 0.38	1.07 0.18	1.38 0.21

Fig. S-1-26

Peptide: **IKGPVLCa** CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	Y2	y1	PV L	PV	KG PV	GP VL- 18	GP V- 28	GP V	GP- 28	GP	b7	b6	b5	b2	a7	a6	a5
z5	1.11 0.05																					
y6	1.03 0.06	1.08 0.02																				
y5	1.05 0.06	1.06 0.05	1.02 0.04																			
y4	1.10 0.06	1.22 0.04	1.13 0.02	1.15 0.02																		
Y2	1.08 0.08	1.02 0.03	1.06 0.01	1.04 0.03	1.19 0.02																	
y1	1.06 0.07	1.05 0.02	1.03 0.01	1.01 0.04	1.17 0.03	1.02 0.01																
PVL	1.01 0.04	1.12 0.03	1.03 0.02	1.05 0.02	1.09 0.01	1.09 0.03	1.07 0.03															
PV	1.09 0.07	1.02 0.04	1.06 0.04	1.04 0.02	1.20 0.02	1.00 0.03	1.03 0.03	1.10 0.04														
KGP V	1.04 0.05	1.15 0.01	1.07 0.02	1.08 0.04	1.06 0.02	1.13 0.03	1.10 0.03	1.03 0.02	1.13 0.03													
GPV L-18	1.17 0.07	1.05 0.02	1.14 0.03	1.12 0.04	1.29 0.03	1.08 0.03	1.10 0.03	1.18 0.03	1.08 0.03	1.21 0.02												
GPV -28	1.08 0.05	1.03 0.04	1.05 0.04	1.03 0.02	1.19 0.02	1.00 0.04	1.02 0.04	1.09 0.02	1.01 0.02	1.12 0.03	1.08 0.02											
GPV	1.12 0.07	1.01 0.03	1.09 0.02	1.07 0.01	1.23 0.01	1.03 0.02	1.06 0.03	1.13 0.02	1.03 0.02	1.16 0.01	1.05 0.03	1.04 0.02										
GP- 28	1.08 0.08	1.03 0.04	1.05 0.04	1.03 0.03	1.19 0.03	1.01 0.04	1.02 0.04	1.08 0.04	1.01 0.04	1.12 0.01	1.09 0.03	1.00 0.02	1.04 0.02									
GP	1.09 0.07	1.02 0.05	1.06 0.04	1.04 0.01	1.20 0.02	1.00 0.03	1.02 0.04	1.10 0.03	1.00 0.01	1.13 0.04	1.08 0.03	1.01 0.03	1.03 0.01	1.01 0.02								
b7	1.02 0.10	1.09 0.05	1.00 0.05	1.02 0.05	1.13 0.07	1.06 0.05	1.04 0.04	1.03 0.06	1.06 0.06	1.06 0.05	1.14 0.05	1.05 0.04	1.09 0.06	1.05 0.04	1.06 0.07							
b6	1.04 0.08	1.07 0.06	1.02 0.06	1.00 0.03	1.15 0.04	1.04 0.05	1.02 0.06	1.05 0.05	1.04 0.02	1.08 0.05	1.12 0.05	1.04 0.04	1.07 0.05	1.03 0.03	1.04 0.02	1.02 0.07						
b5	1.01 0.06	1.10 0.04	1.01 0.02	1.03 0.02	1.11 0.01	1.07 0.02	1.05 0.01	1.02 0.02	1.07 0.02	1.05 0.02	1.16 0.02	1.07 0.03	1.11 0.03	1.06 0.03	1.07 0.02	1.01 0.03	1.03 0.04					
b2	1.07 0.08	1.04 0.03	1.04 0.04	1.02 0.05	1.17 0.04	1.02 0.04	1.00 0.04	1.07 0.04	1.02 0.03	1.10 0.02	1.10 0.01	1.01 0.03	1.05 0.04	1.01 0.02	1.02 0.04	1.05 0.03						
a7	1.01 0.05	1.09 0.03	1.01 0.04	1.03 0.07	1.12 0.06	1.07 0.05	1.05 0.04	1.02 0.05	1.07 0.07	1.05 0.04	1.15 0.05	1.06 0.06	1.10 0.06	1.06 0.07	1.07 0.07	1.01 0.07	1.03 0.09	1.00 0.06	1.05 0.05			
a6	1.07 0.06	1.04 0.03	1.04 0.03	1.02 0.07	1.17 0.06	1.02 0.04	1.01 0.03	1.07 0.05	1.02 0.07	1.11 0.04	1.10 0.05	1.01 0.06	1.05 0.07	1.01 0.07	1.02 0.07	1.04 0.04	1.02 0.09	1.05 0.05	1.00 0.06	1.05 0.04		
a5	1.05 0.07	1.06 0.03	1.02 0.01	1.00 0.05	1.15 0.03	1.03 0.02	1.01 0.01	1.06 0.03	1.04 0.04	1.09 0.02	1.12 0.03	1.03 0.04	1.07 0.03	1.03 0.04	1.04 0.04	1.04 0.04	1.02 0.06	1.01 0.03	1.04 0.05	1.01 0.05	1.03 0.02	
a4	1.13 0.07	1.02 0.02	1.10 0.01	1.09 0.03	1.25 0.02	1.05 0.01	1.07 0.01	1.14 0.02	1.04 0.03	1.18 0.02	1.03 0.02	1.05 0.02	1.01 0.03	1.05 0.02	1.04 0.03	1.11 0.03	1.09 0.05	1.12 0.05	1.07 0.05	1.12 0.05	1.06 0.04	1.08 0.01

Fig. S-1-27

Peptide: **IEGPVLCa** CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	GPV L	GPV	EGP V	b7	b6	b5	a7	a6
z5	1.16 0.05													
y6	1.24 0.04	1.45 0.03												
y5	1.30 0.10	1.51 0.11	1.04 0.07											
y4	1.45 0.08	1.69 0.03	1.17 0.04	1.12 0.08										
y2	1.40 0.05	1.63 0.04	1.13 0.03	1.08 0.09	1.03 0.05									
GPVL	1.39 0.04	1.20 0.06	1.73 0.05	1.81 0.16	2.02 0.12	1.95 0.10								
GPV	1.13 0.03	1.03 0.03	1.41 0.05	1.47 0.11	1.64 0.07	1.59 0.05	1.23 0.06							
EGPV	1.28 0.07	1.10 0.04	1.60 0.08	1.66 0.13	1.86 0.06	1.80 0.07	1.09 0.08	1.13 0.07						
b7	1.40 0.11	1.63 0.06	1.13 0.06	1.09 0.11	1.03 0.03	1.00 0.06	1.96 0.16	1.59 0.11	1.80 0.08					
b6	1.41 0.10	1.64 0.12	1.13 0.08	1.09 0.02	1.03 0.06	1.00 0.07	1.96 0.19	1.59 0.10	1.80 0.13	1.00 0.10				
b5	1.26 0.07	1.47 0.08	1.01 0.05	1.03 0.02	1.15 0.06	1.11 0.06	1.76 0.12	1.43 0.07	1.62 0.11	1.11 0.09	1.12 0.04			
a7	1.23 0.07	1.43 0.04	1.01 0.04	1.05 0.08	1.18 0.03	1.14 0.05	1.72 0.11	1.40 0.08	1.58 0.02	1.14 0.05	1.14 0.08	1.02 0.07		
a6	1.16 0.05	1.00 0.01	1.44 0.05	1.50 0.10	1.68 0.03	1.63 0.05	1.20 0.07	1.03 0.04	1.11 0.02	1.63 0.06	1.63 0.10	1.46 0.07	1.43 0.03	
a5	1.06 0.04	1.23 0.02	1.17 0.01	1.22 0.10	1.37 0.04	1.32 0.05	1.48 0.05	1.20 0.04	1.36 0.06	1.32 0.06	1.33 0.11	1.19 0.07	1.16 0.04	1.23 0.04

Fig. S-1-28

Peptide: **IAGPVLCa** CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	GPV L	GPV	b7z7	b6	b5	AGP V	a7	a6
z5	1.15 0.04													
y6	1.03 0.03	1.12 0.02												
y5	1.14 0.03	1.32 0.04	1.18 0.03											
y4	1.06 0.02	1.09 0.05	1.03 0.04	1.21 0.04										
y2	1.14 0.02	1.01 0.04	1.11 0.04	1.31 0.02	1.08 0.03									
GPVL	1.16 0.08	1.01 0.04	1.12 0.07	1.32 0.09	1.09 0.09	1.01 0.07								
GPV	1.36 0.04	1.18 0.04	1.31 0.05	1.55 0.05	1.28 0.02	1.18 0.04	1.17 0.08							
b7z7	1.21 0.12	1.05 0.12	1.18 0.11	1.39 0.12	1.14 0.09	1.06 0.09	1.05 0.15	1.12 0.09						
b6	1.16 0.03	1.33 0.04	1.19 0.03	1.01 0.01	1.23 0.05	1.32 0.03	1.34 0.08	1.57 0.07	1.40 0.14					
b5	1.07 0.03	1.24 0.03	1.11 0.03	1.06 0.02	1.14 0.04	1.23 0.02	1.24 0.07	1.45 0.04	1.30 0.12	1.08 0.02				
AGPV	1.26 0.03	1.09 0.04	1.22 0.05	1.43 0.05	1.18 0.04	1.10 0.03	1.08 0.05	1.08 0.03	1.03 0.11	1.45 0.05	1.35 0.02			
a7	1.03 0.03	1.12 0.03	1.00 0.02	1.18 0.03	1.03 0.04	1.11 0.04	1.12 0.07	1.31 0.06	1.18 0.12	1.19 0.04	1.11 0.05	1.22 0.06		
a6	1.11 0.02	1.03 0.02	1.08 0.02	1.27 0.03	1.05 0.03	1.03 0.03	1.04 0.06	1.22 0.03	1.09 0.10	1.29 0.03	1.20 0.03	1.13 0.03	1.08 0.02	
a5	1.22 0.03	1.06 0.04	1.19 0.04	1.40 0.02	1.15 0.03	1.07 0.01	1.06 0.07	1.11 0.03	1.01 0.09	1.41 0.02	1.31 0.01	1.03 0.02	1.19 0.05	1.10 0.02

Fig. S-1-29

Peptide: **ISGPVLCa** CID applied

	z6	z5	y6	y5	y4	y2	SGP V	GP	b7- 18	b7	b6- 18	b6	b5	a7	a6
z5	1.23 0.07														
y6	1.18 0.01	1.45 0.07													
y5	1.22 0.04	1.49 0.12	1.03 0.03												
y4	1.38 0.04	1.69 0.12	1.17 0.03	1.14 0.06											
y2	1.71 0.03	2.09 0.12	1.45 0.02	1.40 0.05	1.24 0.03										
SGPV	1.29 0.04	1.05 0.09	1.52 0.07	1.57 0.08	1.79 0.09	2.21 0.10									
GP	1.08 0.04	1.13 0.11	1.27 0.06	1.31 0.06	1.49 0.04	1.84 0.08	1.20 0.05								
b7-18	1.35 0.07	1.65 0.16	1.14 0.07	1.11 0.06	1.03 0.07	1.27 0.07	1.74 0.06	1.46 0.10							
b7	1.30 0.03	1.59 0.12	1.10 0.04	1.07 0.06	1.06 0.04	1.31 0.04	1.68 0.03	1.40 0.07	1.04 0.03						
b6-18	2.21 0.26	2.70 0.43	1.87 0.24	1.82 0.24	1.60 0.21	1.29 0.17	2.85 0.25	2.39 0.28	1.64 0.19	1.70 0.17					
b6	1.28 0.03	1.57 0.12	1.09 0.03	1.05 0.04	1.08 0.04	1.33 0.04	1.66 0.04	1.39 0.05	1.05 0.05	1.01 0.03	1.72 0.17				
b5	1.22 0.01	1.49 0.10	1.03 0.02	1.00 0.03	1.13 0.04	1.40 0.03	1.58 0.05	1.32 0.05	1.11 0.05	1.07 0.03	1.81 0.20	1.05 0.02			
a7	1.15 0.02	1.41 0.10	1.02 0.03	1.06 0.05	1.20 0.05	1.48 0.04	1.49 0.05	1.24 0.07	1.17 0.07	1.13 0.04	1.92 0.20	1.11 0.02	1.06 0.02		
a6	1.25 0.06	1.02 0.08	1.48 0.06	1.52 0.10	1.73 0.07	2.14 0.08	1.03 0.08	1.16 0.07	1.69 0.12	1.63 0.10	2.78 0.48	1.61 0.11	1.53 0.09	1.44 0.09	
a5	1.04 0.03	1.18 0.09	1.22 0.04	1.26 0.07	1.43 0.02	1.77 0.05	1.25 0.07	1.04 0.03	1.40 0.08	1.35 0.05	2.30 0.32	1.33 0.05	1.26 0.05	1.19 0.06	1.21 0.04

Fig. S-1-30

Peptide: **IFGPVLCa** CID applied

	z6	z5	y6	y5	GPV L	GPV	b7z7	b6	b5	b3	a7	a6	a5	a3
z5	1.06 0.03													
y6	1.25 0.04	1.32 0.06												
y5	1.29 0.05	1.36 0.07	1.03 0.02											
GPVL	1.24 0.03	1.17 0.03	1.55 0.04	1.60 0.04										
GPV	1.00 0.05	1.06 0.08	1.25 0.03	1.29 0.03	1.24 0.05									
b7z7	1.57 0.17	1.67 0.18	1.26 0.09	1.22 0.09	1.95 0.18	1.57 0.12								
b6	1.41 0.07	1.50 0.08	1.13 0.04	1.10 0.01	1.75 0.06	1.41 0.05	1.11 0.08							
b5	1.27 0.06	1.34 0.07	1.02 0.03	1.02 0.03	1.57 0.05	1.27 0.06	1.24 0.09	1.11 0.02						
b3	1.33 0.08	1.41 0.09	1.06 0.04	1.03 0.02	1.65 0.07	1.33 0.02	1.19 0.10	1.06 0.02	1.05 0.04					
a7	1.32 0.07	1.40 0.09	1.06 0.03	1.03 0.03	1.64 0.08	1.32 0.04	1.19 0.06	1.07 0.04	1.04 0.05	1.00 0.04				
a6	1.02 0.03	1.04 0.05	1.27 0.02	1.31 0.02	1.220 .02	1.02 0.02	1.60 0.13	1.44 0.04	1.29 0.03	1.35 0.04	1.34 0.04			
a5	1.57 0.05	1.66 0.07	1.26 0.03	1.22 0.02	1.95 0.04	1.56 0.05	1.00 0.08	1.11 0.02	1.24 0.02	1.18 0.03	1.19 0.05	1.59 0.02		
a3	1.30 0.04	1.38 0.06	1.04 0.02	1.01 0.01	1.62 0.03	1.30 0.03	1.21 0.09	1.09 0.02	1.03 0.03	1.02 0.03	1.02 0.03	1.32 0.02	1.20 0.02	
a2	1.27 0.07	1.20 0.07	1.59 0.05	1.64 0.05	1.03 0.04	1.27 0.04	2.00 0.18	1.80 0.07	1.61 0.08	1.69 0.07	1.68 0.07	1.25 0.07	1.99 0.04	1.66 0.04

Fig. S-1-31

Peptide: **IIFPVLCa**

CID applied

	z6	y6	y5	y4	y2	PVL	PV	FPV L	b7z7	b6	b5	b4z4	b3z3	b2	a7	a6	a5
y6	2.69 0.12																
y5	1.93 0.09	5.18 0.08															
y4	2.04 0.12	5.48 0.15	1.06 0.03														
y2	1.12 0.06	3.00 0.05	1.73 0.03	1.83 0.03													
PVL	1.05 0.06	2.81 0.06	1.84 0.03	1.95 0.05	1.07 0.02												
PV	1.15 0.06	2.33 0.08	2.22 0.06	2.35 0.08	1.29 0.03	1.20 0.04											
FPV L	1.03 0.07	2.61 0.08	1.99 0.06	2.10 0.05	1.15 0.02	1.08 0.01	1.12 0.05										
b7z7	2.29 0.68	6.10 1.51	1.18 0.30	1.11 0.28	2.03 0.49	2.17 0.52	2.60 0.67	2.33 0.53									
b6	2.65 0.12	7.11 0.19	1.37 0.03	1.30 0.05	2.37 0.08	2.53 0.09	3.05 0.09	2.72 0.13	1.22 0.30								
b5	1.69 0.06	4.53 0.06	1.14 0.02	1.21 0.03	1.51 0.04	1.61 0.03	1.94 0.08	1.74 0.05	1.35 0.35	1.57 0.05							
b4z4	1.87 0.07	5.02 0.10	1.03 0.01	1.09 0.03	1.67 0.04	1.79 0.03	2.15 0.06	1.93 0.06	1.21 0.31	1.42 0.03	1.11 0.02						
b3z3	1.36 0.09	3.65 0.09	1.42 0.05	1.50 0.04	1.22 0.02	1.30 0.04	1.56 0.05	1.40 0.04	1.67 0.39	1.95 0.09	1.24 0.04	1.38 0.05					
b2	1.01 0.08	2.66 0.16	1.94 0.12	2.06 0.13	1.13 0.06	1.06 0.07	1.14 0.04	1.02 0.07	2.28 0.57	2.67 0.16	1.70 0.11	1.89 0.12	1.37 0.06				
a7	2.15 0.08	5.78 0.27	1.12 0.06	1.05 0.06	1.93 0.11	2.05 0.10	2.48 0.18	2.22 0.11	1.07 0.29	1.23 0.08	1.27 0.05	1.15 0.05	1.58 0.10	2.17 0.23			
a6	1.77 0.11	4.76 0.26	1.09 0.08	1.15 0.07	1.59 0.10	1.70 0.12	2.04 0.17	1.83 0.12	1.29 0.34	1.49 0.12	1.05 0.06	1.06 0.08	1.31 0.07	1.79 0.15	1.21 0.07		
a5	1.29 0.06	3.46 0.19	1.49 0.09	1.58 0.06	1.15 0.06	1.23 0.07	1.48 0.11	1.33 0.07	1.77 0.49	2.05 0.13	1.31 0.05	1.45 0.07	1.05 0.05	1.30 0.13	1.67 0.07	1.38 0.07	
a2	1.01 0.04	2.70 0.09	1.92 0.04	2.03 0.06	1.11 0.03	1.04 0.02	1.16 0.03	1.04 0.03	2.25 0.58	2.63 0.08	1.68 0.05	1.86 0.03	1.35 0.06	1.02 0.06	2.14 0.12	1.76 0.16	1.28 0.08

Fig. S-1-32

Peptide: **IIPVLCa**

CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	y1	PV L	b7	b6	b5	b4	b3	b2	AP VL	AP V	a7	a6	a5	
z5	1.11 0.06																				
z4	1.64 0.02	1.81 0.10																			
y6	2.60 0.15	2.35 0.23	4.26 0.26																		
y5	2.07 0.15	2.30 0.19	1.27 0.08	5.39 0.43																	
y4	2.45 0.16	2.72 0.22	1.50 0.09	6.36 0.42	1.18 0.02																
y2	1.27 0.05	1.40 0.11	1.29 0.04	3.29 0.15	1.64 0.06	1.94 0.06															
y1	1.02 0.05	1.13 0.07	1.61 0.07	2.65 0.20	2.04 0.06	2.41 0.08	1.24 0.05														
PV L	1.02 0.05	1.13 0.09	1.61 0.09	2.64 0.09	2.04 0.11	2.41 0.10	1.25 0.03	1.00 0.06													
b7	1.96 0.70	2.19 0.78	1.19 0.42	5.06 1.67	1.12 0.29	1.32 0.35	1.54 0.52	1.91 0.57	1.92 0.65												
b6	2.67 0.20	2.96 0.23	1.63 0.11	6.93 0.51	1.29 0.03	1.09 0.02	2.11 0.09	2.62 0.11	2.62 0.12	1.44 0.37											
b5	1.70 0.10	1.89 0.13	1.04 0.06	4.43 0.31	1.22 0.03	1.44 0.03	1.35 0.04	1.67 0.06	1.68 0.07	1.14 0.35	1.57 0.02										
b4	1.72 0.08	1.90 0.13	1.05 0.04	4.46 0.25	1.21 0.04	1.43 0.03	1.36 0.03	1.69 0.07	1.69 0.04	1.13 0.37	1.55 0.05	1.01 0.02									
b3	1.25 0.04	1.38 0.11	1.31 0.05	3.24 0.11	1.66 0.08	1.96 0.07	1.01 0.02	1.23 0.06	1.23 0.03	1.56 0.51	2.14 0.09	1.37 0.05	1.38 0.03								
b2	1.10 0.07	1.22 0.09	1.49 0.08	2.85 0.21	1.89 0.02	2.23 0.04	1.15 0.03	1.08 0.03	1.08 0.05	1.77 0.55	2.43 0.05	1.55 0.05	1.56 0.02	1.14 0.03							
AP VL	1.35 0.04	1.22 0.10	2.22 0.07	1.92 0.06	2.80 0.14	3.31 0.12	1.71 0.03	1.38 0.06	1.38 0.04	2.63 0.87	3.61 0.16	2.31 0.09	2.32 0.07	1.69 0.01	1.48 0.07						
AP V	1.32 0.07	1.46 0.11	1.24 0.05	3.43 0.26	1.57 0.04	1.86 0.05	1.04 0.03	1.29 0.03	1.30 0.06	1.47 0.48	2.03 0.09	1.29 0.04	1.30 0.03	1.06 0.04	1.20 0.03	1.78 0.08					
a7	2.13 0.11	2.36 0.20	1.30 0.08	5.53 0.21	1.03 0.10	1.15 0.10	1.69 0.13	2.10 0.19	2.10 0.12	1.16 0.34	1.25 0.11	1.25 0.10	1.24 0.09	1.71 0.10	1.94 0.09	2.89 0.17	1.62 0.18				
a6	1.63 0.05	1.80 0.08	1.01 0.04	4.23 0.23	1.27 0.07	1.51 0.08	1.29 0.05	1.60 0.08	1.60 0.06	1.21 0.42	1.64 0.10	1.05 0.05	1.06 0.05	1.31 0.04	1.48 0.05	2.20 0.07	1.24 0.10	1.31 0.06			
a5	1.19 0.05	1.32 0.10	1.38 0.06	3.08 0.23	1.74 0.11	2.06 0.13	1.06 0.05	1.17 0.06	1.17 0.08	1.64 0.52	2.24 0.14	1.43 0.08	1.44 0.08	1.05 0.05	1.08 0.06	1.61 0.07	1.11 0.07	1.80 0.12	1.37 0.08		
a2	1.10 0.10	1.22 0.14	1.49 0.15	2.85 0.12	1.89 0.12	2.23 0.13	1.15 0.08	1.08 0.10	1.08 0.05	1.77 0.56	2.43 0.13	1.55 0.09	1.57 0.09	1.14 0.09	1.00 0.07	1.49 0.07	1.20 0.06	1.94 0.10	1.48 0.15	1.08 0.11	

Fig. S-1-33

Peptide: **IIPVLCa**

CID applied

	z5	z4	y6	y5	y4	y2	y1	PV L	KP VL	KP V	IK	b7z 7	b6	b5	b4	b3	b2	a6	a5
z4	1.83 0.02																		
y6	4.64 0.20	2.53 0.09																	
y5	1.93 0.05	1.05 0.02	2.40 0.09																
y4	1.68 0.04	1.09 0.02	2.76 0.10	1.15 0.02															
y2	2.20 0.01	1.20 0.02	2.11 0.09	1.14 0.03	1.31 0.04														
y1	2.32 0.02	1.26 0.03	2.00 0.11	1.20 0.03	1.38 0.04	1.05 0.01													
PV	2.50 0.11	1.37 0.05	1.85 0.05	1.30 0.07	1.49 0.08	1.14 0.05	1.08 0.06												
KP	1.15 0.03	1.59 0.03	4.02 0.03	1.67 0.14	1.46 0.06	1.90 0.06	2.01 0.04	2.17 0.07											
VL																			
KP	1.46 0.03	1.25 0.03	3.17 0.14	1.32 0.03	1.15 0.03	1.50 0.02	1.58 0.04	1.71 0.09	1.27 0.04										
V																			
IK	3.73 0.12	2.03 0.05	1.24 0.04	1.93 0.03	2.22 0.04	1.70 0.06	1.61 0.07	1.49 0.07	3.23 0.12	2.55 0.08									
b7z	1.84 0.17	1.01 0.09	2.52 0.19	1.05 0.09	1.10 0.11	1.20 0.10	1.26 0.12	1.36 0.08	1.60 0.13	1.26 0.09	2.03 0.19								
7																			
b6	1.75 0.08	1.05 0.05	2.65 0.22	1.10 0.06	1.04 0.06	1.26 0.06	1.32 0.06	1.43 0.11	1.51 0.10	1.19 0.05	2.13 0.14	1.05 0.09							
b5	2.10 0.11	1.15 0.06	2.20 0.15	1.09 0.04	1.25 0.04	1.04 0.06	1.10 0.06	1.19 0.10	1.82 0.13	1.44 0.05	1.77 0.07	1.15 0.11	1.20 0.06						
b4	1.74 0.05	1.05 0.02	2.66 0.08	1.11 0.03	1.04 0.04	1.26 0.03	1.33 0.05	1.44 0.03	1.51 0.03	1.19 0.04	2.14 0.08	1.06 0.07	1.00 0.07	1.21 0.06					
b3	3.24 0.09	1.77 0.03	1.43 0.05	1.68 0.06	1.93 0.08	1.47 0.04	1.40 0.05	1.29 0.03	2.81 0.02	2.21 0.08	1.15 0.05	1.76 0.14	1.85 0.12	1.54 0.11	1.86 0.03				
b2	2.40 0.04	1.31 0.03	1.93 0.07	1.24 0.02	1.43 0.04	1.09 0.02	1.04 0.02	1.04 0.04	2.08 0.06	1.64 0.04	1.55 0.03	1.31 0.04	1.37 0.12	1.14 0.08	1.38 0.06	1.35 0.05			
a6	1.12 0.04	1.64 0.06	4.16 0.30	1.73 0.10	1.50 0.09	1.97 0.08	2.08 0.07	2.24 0.14	1.03 0.04	1.31 0.07	3.34 0.20	1.65 0.20	1.56 0.17	1.88 0.09	1.56 0.12	2.90 0.10	2.15 0.10		
a5	1.58 0.09	1.16 0.06	2.93 0.05	1.22 0.06	1.06 0.05	1.39 0.08	1.46 0.10	1.58 0.06	1.37 0.07	1.08 0.06	2.36 0.09	1.16 0.08	1.10 0.09	1.33 0.07	1.10 0.05	2.05 0.10	1.52 0.08	1.42 0.12	
a2	2.08 0.03	1.14 0.02	2.23 0.09	1.08 0.03	1.24 0.04	1.06 0.02	1.11 0.03	1.20 0.05	1.80 0.04	1.42 0.04	1.79 0.05	1.13 0.10	1.19 0.07	1.01 0.06	1.19 0.04	1.56 0.05	1.15 0.02	1.87 0.07	1.32 0.07

Fig. S-1-34

Peptide: **IIDPVLCa**

CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	PV L	DP VL	DP V	b7z 7	b6	b5	b4	b3	a7	a6	a5
z5	1.71 0.16																	
z4	1.54 0.06	1.11 0.07																
y6	3.09 0.33	1.80 0.04	2.00 0.17															
y5	1.09 0.02	1.86 0.14	1.68 0.05	3.36 0.31														
y4	1.02 0.09	1.70 0.31	1.52 0.19	3.07 0.60	1.12 0.12													
y2	1.17 0.03	1.46 0.10	1.32 0.02	2.64 0.22	1.28 0.03	1.16 0.13												
PVL	2.28 0.07	1.34 0.12	1.48 0.07	1.35 0.15	2.49 0.13	2.25 0.20	1.95 0.06											
DPV L	2.17 0.07	1.28 0.10	1.41 0.05	1.42 0.15	2.37 0.13	2.14 0.21	1.86 0.05	1.05 0.02										
DPV	1.81 0.09	1.07 0.12	1.18 0.07	1.71 0.24	1.98 0.14	1.78 0.11	1.55 0.08	1.26 0.05	1.20 0.05									
b7z7	1.47 0.39	1.29 0.51	1.14 0.41	2.34 0.98	1.61 0.46	1.42 0.28	1.26 0.35	1.67 0.50	1.59 0.50	1.32 0.39								
b6	1.05 0.13	1.67 0.38	1.49 0.25	3.02 0.74	1.15 0.16	1.03 0.04	1.13 0.18	2.20 0.30	2.09 0.30	1.74 0.18	1.37 0.23							
b5	1.11 0.06	1.55 0.21	1.40 0.11	2.81 0.42	1.21 0.09	1.09 0.05	1.06 0.07	2.07 0.10	1.96 0.10	1.64 0.03	1.32 0.31	1.06 0.09						
b4	1.16 0.07	1.99 0.23	1.79 0.11	3.60 0.49	1.07 0.09	1.18 0.07	1.36 0.07	2.65 0.10	2.52 0.08	2.10 0.03	1.69 0.41	1.22 0.12	1.28 0.02					
b3	1.91 0.12	1.13 0.14	1.24 0.09	1.63 0.25	2.09 0.17	1.88 0.08	1.64 0.11	1.19 0.06	1.14 0.06	1.06 0.03	1.39 0.37	1.83 0.16	1.73 0.02	2.22 0.04				
a7	1.27 0.08	2.17 0.31	1.95 0.18	3.93 0.62	1.16 0.10	1.29 0.07	1.48 0.12	2.89 0.14	2.75 0.18	2.29 0.09	1.84 0.39	1.33 0.12	1.40 0.03	1.09 0.03	2.42 0.04			
a6	1.10 0.06	1.87 0.08	1.69 0.04	3.38 0.21	1.00 0.04	1.13 0.15	1.28 0.03	2.50 0.15	2.38 0.11	1.99 0.15	1.63 0.49	1.16 0.19	1.22 0.11	1.06 0.08	2.11 0.19	1.16 0.12		
a5	1.00 0.08	1.72 0.23	1.54 0.10	3.10 0.49	1.09 0.10	1.02 0.07	1.17 0.08	2.28 0.13	2.17 0.11	1.81 0.04	1.45 0.38	1.05 0.12	1.11 0.03	1.16 0.02	1.91 0.06	1.26 0.06	1.10 0.10	
a2	1.86 0.26	1.10 0.20	1.21 0.16	1.70 0.38	2.04 0.32	1.82 0.08	1.59 0.21	1.24 0.15	1.18 0.13	1.02 0.10	1.33 0.29	1.77 0.09	1.68 0.14	2.16 0.18	1.03 0.08	2.34 0.21	2.05 0.30	1.86 0.15

Fig. S-1-35

Peptide: **IISPVLCa**

CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	SPV L	SPV	b7z 7	b6	b5	b4	b3	b2	a7	a6	a5
z5	1.31 0.04																	
z4	1.03 0.08	1.27 0.07																
y6	2.72 0.05	2.07 0.06	2.62 0.19															
y5	1.51 0.05	1.98 0.05	1.56 0.11	4.10 0.13														
y4	1.70 0.06	2.23 0.04	1.76 0.09	4.61 0.11	1.13 0.02													
y2	1.16 0.07	1.53 0.06	1.20 0.07	3.16 0.21	1.30 0.06	1.46 0.07												
SPV L	1.58 0.05	1.20 0.01	1.53 0.09	1.72 0.06	2.38 0.06	2.69 0.07	1.84 0.07											
SPV	1.09 0.06	1.20 0.04	1.05 0.06	2.49 0.15	1.65 0.07	1.85 0.08	1.27 0.03	1.45 0.04										
b7z7	2.11 0.21	2.76 0.36	2.17 0.39	5.72 0.60	1.40 0.17	1.24 0.16	1.81 0.28	3.33 0.42	2.30 0.35									
b6	1.99 0.04	2.60 0.08	2.05 0.14	5.39 0.10	1.32 0.03	1.17 0.02	1.71 0.10	3.14 0.11	2.16 0.11	1.06 0.12								
b5	1.29 0.06	1.69 0.04	1.33 0.06	3.50 0.13	1.17 0.03	1.32 0.02	1.11 0.05	2.03 0.05	1.40 0.06	1.63 0.23	1.54 0.04							
b4	1.27 0.08	1.67 0.09	1.31 0.09	3.45 0.24	1.19 0.08	1.34 0.09	1.09 0.05	2.01 0.11	1.38 0.05	1.66 0.28	1.57 0.10	1.01 0.07						
b3	1.21 0.05	1.08 0.03	1.17 0.07	2.24 0.12	1.83 0.09	2.06 0.08	1.41 0.07	1.31 0.03	1.11 0.04	2.55 0.37	2.40 0.14	1.56 0.05	1.54 0.10					
b2	1.30 0.09	1.01 0.06	1.26 0.12	2.09 0.16	1.97 0.14	2.21 0.16	1.51 0.07	1.22 0.06	1.19 0.04	2.75 0.42	2.59 0.19	1.68 0.12	1.65 0.08	1.07 0.06				
a7	1.63 0.08	2.14 0.07	1.69 0.11	4.43 0.24	1.08 0.07	1.04 0.05	1.40 0.09	2.58 0.10	1.78 0.07	1.29 0.18	1.22 0.07	1.27 0.07	1.29 0.08	1.98 0.05	2.12 0.11			
a6	1.27 0.08	1.67 0.08	1.31 0.04	3.45 0.14	1.19 0.07	1.34 0.06	1.09 0.05	2.01 0.11	1.38 0.08	1.66 0.24	1.56 0.07	1.01 0.04	1.00 0.06	1.54 0.10	1.65 0.15	1.29 0.08		
a5	1.03 0.05	1.35 0.06	1.07 0.06	2.80 0.11	1.46 0.05	1.65 0.05	1.13 0.09	1.63 0.08	1.13 0.08	2.04 0.27	1.92 0.08	1.25 0.04	1.23 0.11	1.25 0.07	1.35 0.13	1.58 0.10	1.23 0.07	
a2	1.19 0.09	1.11 0.07	1.14 0.10	2.29 0.18	1.79 0.12	2.02 0.15	1.38 0.07	1.33 0.08	1.09 0.04	2.50 0.39	2.36 0.16	1.53 0.11	1.51 0.06	1.02 0.06	1.10 0.07	1.93 0.02	1.51 0.11	1.23 0.13

Fig. S-1-36Peptide: **IIIIPVLCa**

CID applied

	z6	z5	z4	y6	y5	y4	y2	y1	IPV L	IPV	b7z 7	b6	b5	b4	b3	b2	a7	a6	
z5	1.16 0.04																		
z4	2.15 0.16	1.86 0.12																	
y6	2.45 0.26	2.85 0.22	5.29 0.34																
y5	2.26 0.23	1.95 0.17	1.05 0.08	5.57 0.61															
y4	2.64 0.28	2.28 0.20	1.23 0.10	6.50 0.63	1.17 0.03														
y2	1.32 0.12	1.14 0.10	1.62 0.10	3.26 0.35	1.70 0.07	1.99 0.09													
y1	1.39 0.32	1.20 0.26	1.52 0.25	3.46 0.83	1.60 0.20	1.87 0.25	1.06 0.12												
IPV L	1.62 0.14	1.89 0.15	3.50 0.18	1.51 0.16	3.68 0.13	4.30 0.22	2.16 0.09	2.28 0.28											
IPV	1.60 0.22	1.38 0.16	1.34 0.14	3.94 0.53	1.41 0.05	1.65 0.05	1.21 0.05	1.14 0.11	2.61 0.17										
b7z7	5.14 0.60	4.43 0.37	2.39 0.23	12.6 1.18	2.27 0.16	1.94 0.09	3.87 0.24	3.64 0.56	8.37 0.60	3.21 0.19									
b6	3.60 0.44	3.11 0.31	1.68 0.16	8.88 1.04	1.60 0.04	1.37 0.03	2.72 0.10	2.56 0.30	5.87 0.36	2.25 0.04	1.42 0.09								
b5	1.76 0.23	1.52 0.17	1.22 0.12	4.33 0.53	1.29 0.04	1.50 0.03	1.33 0.07	1.25 0.16	2.86 0.18	1.10 0.02	2.92 0.19	2.05 0.03							
b4	2.38 0.27	2.06 0.22	1.11 0.08	5.88 0.75	1.05 0.03	1.11 0.05	1.80 0.07	1.69 0.16	3.88 0.10	1.49 0.06	2.16 0.14	1.51 0.07	1.35 0.07						
b3	1.96 0.21	1.69 0.14	1.10 0.08	4.82 0.52	1.15 0.06	1.35 0.06	1.48 0.03	1.39 0.16	3.19 0.19	1.23 0.04	2.62 0.15	1.84 0.06	1.11 0.05	1.22 0.06					
b2	1.46 0.29	1.26 0.23	1.45 0.23	3.62 0.73	1.53 0.12	1.78 0.16	1.11 0.10	1.05 0.05	2.40 0.27	1.08 0.06	3.46 0.42	2.44 0.17	1.19 0.09	1.61 0.14	1.33 0.10				
a7	3.86 0.32	3.32 0.30	1.79 0.28	9.43 1.03	1.70 0.31	1.45 0.25	2.89 0.52	2.70 0.83	6.26 1.09	2.39 0.49	1.33 0.20	1.06 0.20	2.18 0.43	1.61 0.32	1.95 0.35	2.57 0.70			
a6	2.99 0.23	2.58 0.21	1.39 0.11	7.37 0.97	1.32 0.07	1.13 0.09	2.25 0.21	2.10 0.35	4.86 0.27	1.86 0.17	1.72 0.20	1.21 0.10	1.70 0.13	1.25 0.08	1.52 0.16	2.01 0.27	1.29 0.21		
a2	1.61 0.41	1.39 0.33	1.31 0.27	3.99 1.01	1.38 0.17	1.61 0.21	1.22 0.17	1.16 0.06	2.64 0.41	1.01 0.10	3.14 0.49	2.21 0.24	1.08 0.11	1.46 0.17	1.20 0.14	1.10 0.14	2.32 0.05	1.82 0.74	

Fig. S-2: MALDI-MS/MS spectra of (A) synthetic and (B) natural (fraction 27.2 min in chromatogram Fig.2A) [D-Leu2]-GH-2 peptide.

